



**教师姓名：庄黎丽**

**出生年月：1982.06**

**职称：副教授**

**籍贯：江苏常州**

**研究方向：草坪草逆境发育与分子生物学**

**讲授课程：《草坪灌溉与排水学》、《分子生物学》、《学科导论（双语）》**

**学术兼职：无**

**办公房间：理科南楼 F316 室**

**办公电话：025-84399712**

**E-mail：nauzll@njau.edu.cn**

### **学习经历**

2005.09-2012.05，上海交通大学，遗传学专业，理学博士学位

2001.09-2005.08，海南大学（原：华南热带农业大学），生物技术专业，理学学士学位

### **工作经历**

2020.1-至今，南京农业大学草业学院，副教授

2017.09-2018.09，美国新泽西州立罗格斯大学，访问学者

2013.06-2015.12，南京农业大学草业学院，博士后

### **研究项目**

- 1、PvHSFA4a 蛋白乙酰化修饰调控海滨雀稗耐镉的作用机制，2019.01-2022.12，国家自然科学基金面上项目（31872953），参加，72万
- 2、FaTB1/FaHD-ZIP I 调控单元参与干旱抑制草坪草分蘖芽伸长的机制研究，2018/07-2021/06，江苏省自然科学基金面上项目（BK20181320），主持，10万
- 3、激素-糖类互作介导‘干旱-复水’处理促进黑麦草分蘖发育的机理，2018/01-2018/12，中央高校基本科研业务费学科建设项目（KYZ201862），主持，10万元
- 4、FaMAX2 介导干旱抑制苇状羊茅分蘖发育的分子机制，2017/01-2020/12，国家自然科学基金面上项目（31672480），参加，72万元
- 5、热激转录因子 PvHSFA4a 调控海滨雀稗耐镉的分子机制，2017/01-2020/12，国家自然科学基金面上项目（31672193），参加，72万元
- 6、高羊茅地下茎形成及其抗旱和旱后恢复的分子机制，2016/01-2019/12，国家自然科学基金面上项目（31572153），参加，72万元
- 7、干旱胁迫下高羊茅分蘖发育调控的分子机理研究，2015/01-2017/12，国家自然科学基金青年基金（31401912），主持，26万元
- 8、干旱胁迫下草坪草分蘖发育调控机理，2014/07-2017/06，江苏省自然科学基金青年基金（BK20140718），主持，20万

9、干旱胁迫下高羊茅分蘖发育调控的分子机理研究, 2015/01-2017/12, 中央高校基本科研业务费青年项目 (KJQN201554) , 主持, 10 万元

10、水通道蛋白基因的克隆及其在草地早熟禾抗旱中的作用, 2013/06-2015/05, 中国博士后基金面上项目, 2013M541688, 5 万元, 结题, 主持。

### 学术论文

1, Li X\*, Liu W, **Zhuang LL**, Zhu Y, Wang F, Chen T, Yang J, Ambrose M, Hu Z, Weller JL, Luo D. BIGGER ORGANS and ELEPHANT EAR-LIKE LEAF1 control organ size and floral organ internal asymmetry in pea. J Exp Bot 2018, Advance Access Publication, 影响因子 5.354

2, **Zhuang LL**, Cao W, Wang J, Yu J, Yang Z\* and Huang B\*. Characterization and functional analysis of FaHsfC1b from *Festuca arundinacea* conferring heat tolerance in Arabidopsis. Int J Mol Sci 2018, 19(9): 2702,影响因子 3.878

3, Xu Q, Fan NL, **Zhuang LL**, Yu JJ\*, Huang BR\*. Enhanced stolon growth and metabolic adjustment in creeping bentgrass with elevated CO<sub>2</sub> concentration, Environ. Exp. Bot. 2018, 155: 87-97, 影响因子 4.234

4, **庄黎丽**, 王剑, 杨志民. 基于转录组数据库的高羊茅 HD-ZIP I 转录因子的鉴定及表达模式解析, 草业学报, 2018, 27 (3): 67-77, 中文核心一区

5, Wang XY, **Zhuang LL**, Shi Yi, Huang BR\*. Up-regulation of HSFA2c and HSPs by ABA contributing to improved heat tolerance in tall fescue and Arabidopsis, *Inter. J. Mol. Sci.* 2017, 18, (9), 1981, 影响因子3.878

6, **Zhuang LL**<sup># \*</sup>, Wang J<sup>#</sup>, Huang BR\*. Drought inhibition of tillering in *Festuca arundinacea* associated with axillary bud development and strigolactone signaling, *Environ. Exp. Bot.* 2017, 142: 15-23 (#并列第一作者, \*通讯作者), 影响因子4.234

7, Chen Y<sup>#</sup>, Chen CM<sup>#</sup>, Tan ZQ, Liu J, **Zhuang LL**, Yang ZM\*, Huang BR\*. Functional identification and characterization of genes cloned from halophyte *Seashore Paspalum* conferring salinity and cadmium tolerance, *Front. Plant Sci.* 2016, 7: 102, 影响因子 3.678

8, **Zhuang LL**<sup>#</sup>, Yuan YX<sup>#</sup>, Chen Y, Xu B, Yang ZM\*, Huang BR\*. PpCBF3 from cold-tolerant Kentucky Bluegrass involved in freezing tolerance associated with up-regulation of cold-related genes in transgenic *Arabidopsis thaliana*, *PLoS One.* 2015, 10 (7): e0132928 (#并列第一作者), 影响因子 2.766

9, **Zhuang LL**<sup>\*</sup>, Liu MX, Yuan XY, Yang ZM, Huang BR\*. Physiological effects of aquaporin in regulating drought tolerance through overexpression of *Festuca arundinacea* aquaporin gene *FaPIP2;1*, *J. Amer. Soc. Hort. Sci.* 2015, 140: 404-12 (\*通讯作者), 影响因子

- 10, Chen Y#, Tan ZQ#, Hu BY, Yang ZM\*, Xu B, **Zhuang LL**, Huang BR\*. Selection and validation of reference genes for target gene analysis with quantitative RT-PCR in leaves and roots of bermuda grass under four different abiotic stresses, *Physiol Plant*.2015, 155 (2): 138-148, 影响因子 2.580
- 11, **Zhuang LL**, Ambrose M, Rameau C, Weng L, Yang J, Hu XH, Luo D, Li X\*. LATHYROIDES, encoding a WUSCHEL-related homeobox1 transcription factor, controls organ lateral growth and regulates tendril and dorsal petal identities in garden pea (*Pisum sativum* L.), *Mol. Plant*. 2012, 5 (6): 1333-45 (封面文章), 影响因子 9.326
- 12, Li X, **Zhuang LL**, Ambrose M, Rameau C, Hu XH, Yang J, Luo D\*. Genetic analysis of ele mutants and comparative mapping of ele1 loci in the control of organ internal asymmetry in garden pea, *J. Integr. Plant Biol.* 2010, 52 (6): 528-35 (封面文章), 影响因子 3.129
- 13, Li X, He SB, **Zhuang LL**, Sato S, Tabata S, Ambrose M, Rameau C, Yang J, Hu XH, Luo D\*. Genetic analysis and comparative mapping of BIO and ELE2 loci in Lotus japonicas and pea, *Genomics Applied Biol.* 2010, 29 (1): 3-9, 中文核心